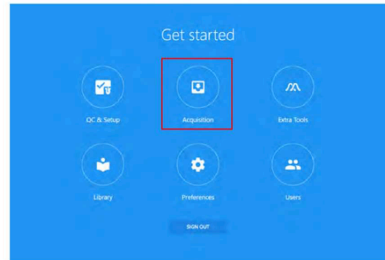


Fiche de démarrage et arrêt Aurora 4L

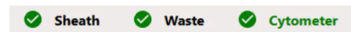
1. Procédure de mise en marche

- Se connecter à MRI avec son login et mot de passe, sélectionnez le compte pour la facturation > cliquer sur ok
- Mettre l'Aurora sous tension en appuyant sur le bouton principal situé sur la façade gauche de l'appareil.
- Assurez-vous qu'un tube contenant 1 ml d'eau désionisée (DI) est chargé sur le SIP avant de lancer le logiciel SpectroFlo. Ouvrez le logiciel SpectroFlo et connectez-vous en saisissant votre nom d'utilisateur et mot de passe puis en cliquant sur SIGN IN.
- Sélectionnez Acquisition dans le menu Get started

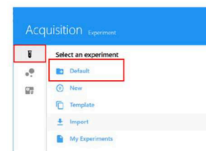


e) Vérifiez les indicateurs d'état en bas à droite de l'écran :

- Liquide de gaine (eau milli-Q) : si insuffisant, le remplacer avec le bidon plein (un bidon d'eau plein est toujours disponible)
- Réservoir à déchets (waste): si plein, le remplacer avec un bidon vide. Notez la date sur le bidon vide. Bidon plein : ajoutez un berlingot de javel et notez « + javel » et la date.



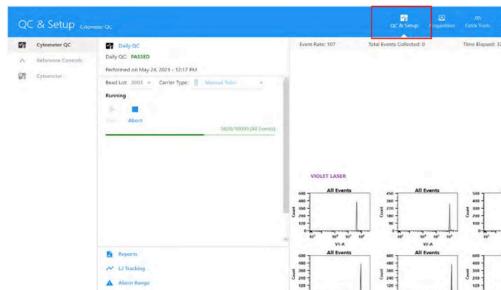
f) Dans l'onglet Experiment, ouvrir une expérience par défaut, mettre un tube avec 3 ml d'eau milli-Q dans la SIP et faire une acquisition pendant 5 minutes à haut débit.



2. Contrôle qualité (QC) quotidien

Exécutez le Daily QC à l'aide des billes SpectroFlo QC Beads avant l'acquisition d'échantillons pour vérifier que le cytomètre fonctionne de façon optimale.

- Préparez les billes SpectroFlo QC Beads : 1 goutte de billes dans 0,3 ml de solution de gaine (eau milli-Q)
- Sélectionnez QC & Setup dans le menu Get started
- Démarrez l'acquisition : chargez un tube de billes dans le SIP, sélectionnez Start pour commencer l'acquisition. Une fois l'enregistrement terminé (3min), un message s'affiche et un rapport (Daily QC Report) est disponible.



3. A la fin de chaque session :

3a) Exportez et sauvegardez vos données

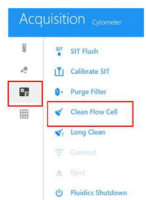
Dans My Experiment faites clic droit sur le fichier correspondant > Exporter > Disque D > Aurora Analyseur > Aurora Analyseur 2024 > Aurora Analyseur Export.

Important : Pensez à récupérer vos données avec l'utilisation d'un support externe (type clef USB ou Disque dur externe) ou les transférer dans votre dossier FileZilla et à les effacer du logiciel d'analyse ainsi que du disque D. Les données seront conservées un maximum de **3 mois** avant suppression sans avertissement préalable.

3b) Vérifier systématiquement sur le site de réservation de MRI si un autre créneau est encore réservé.

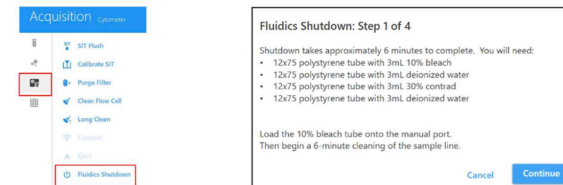
S'il y a un créneau réservé après vous :

- Effectuer la procédure de lavage de la fluïdique de la zone échantillon : chargez un tube contenant 3 ml de Clean pendant 3 minutes à flow rate high et après remettre le tube d'eau dans la SIP
- Sous l'onglet Cytomètre, cliquez sur Clean Flow Cell et suivez les instructions. Une fois le nettoyage de la Flow Cell terminé, laissez le tube d'eau sur la SIP pour l'utilisateur suivant.
- Sortir de votre session MRI (icône Logout sur le bureau)
- Changer le bidon poubelle s'il est plein et remplir le bidon d'eau milli-Q s'il est vide ou presque.
- Fermer le logiciel SpectroFlo
- Sortir de votre session MRI (icône Logout sur le bureau).



S'il n'y a pas de créneau réservé après vous exécutez la procédure d'arrêt du système :

Dans l'onglet Cytometer, à partir du module Acquisition, sélectionnez Fluidics Shutdown



- Chargez un tube contenant 3 ml de FACSClean sur le SIP et cliquez sur Continue.
- Chargez un tube contenant 3 ml d'eau DI et cliquez sur Continue.
- Chargez un tube contenant 3 ml de Contrad 70 à 50 % et cliquez sur Continue.
- Chargez un tube contenant 3 ml d'eau DI et cliquez sur Continue.
- Attendez que la procédure d'arrêt s'achève, puis cliquez sur Done.
- Mettez le cytomètre hors tension en appuyant sur le bouton principal vert situé sur la façade gauche de l'appareil.
- Quittez le logiciel SpectroFlo.
- Sortir de votre session MRI (icône Logout sur le bureau)
- Assurez-vous que la SIT est immergée dans de l'eau DI à l'issue de la procédure.
- Laisser l'ordinateur allumé.